

薛超，博士，出生于江苏无锡，中共党员。

研究方向：生物信息学与土壤微生物，土壤微生物群落调控，连作障碍修复，土壤碳氮循环，新型肥料研发。



一、教育经历

2008/06-2015/12，南京农业大学，植物营养系，博士，
导师：沈其荣

2012/02-2014/08，美国密西根州立大学，微生物生态中心，联合培养博士，
导师：James M. Tiedje

2004/09-2008/06，南京农业大学，园艺专业，学士

二、工作经历

2016年至2019年，南京农业大学资源与环境科学学院植物营养与肥料学系，讲师。

2020年至今，南京农业大学资源与环境科学学院植物营养与肥料学系，副教授。

三、教学情况

微生物信息学（博士课程）

植物根际生物学过程（本科课程）

四、主持项目

江苏省自然科学基金青年基金项目，BK20160730，土壤微生物区系调控关键影响因子研究，2016/07-2019/6，20万，结题，主持。

中国博士后科学基金面上资助项目，2017M621761，水稻基因型对根际衍生碳及土壤有机质矿化稳定性的影响，2017/07-2020/6，5万，在研，主持。

中国博士后科学基金特别资助项目，2018T110510，菌群移植构建西瓜抑病型土壤微生物区系，2018/01-2020/12，15万元，在研，主持。

国家自然科学基金青年基金项目，31902113，绿色熏蒸联合生物有机肥修复西瓜枯萎病高发病土壤微生物区系机制，2020/01-2022/12，24万元，在研，主持。

五、发表论文

1. Tingting Wang, Yuewen Hao, Mingzhu Zhu, Sitian Yu, Wei Ran, **Chao Xue***, Ning Ling, Qirong Shen. Characterizing differences in microbial community composition and

- function between Fusarium wilt diseased and healthy soils under watermelon cultivation. Plant Soil, 2019, 438: 421-433. (通讯作者)
2. **Chao Xue**, Yuewen Hao, Xiaowei Pu, C. Ryan Penton, Qiong Wang, Mengxin Zhao, Bangzhou Zhang, Wei Ran, Qiwei Huang, Qirong Shen*, James M. Tiedje*. Effect of LSU and ITS genetic markers and reference databases on analyses of fungal communities. Biology and Fertility of Soils, 2019, 55: 79–88
 3. **Chao Xue[#]**, Zongzhan Shen[#], Yuewen Hao, Sitian Yu, Yuchan Li, Weijie Huang, Yao Chong, Wei Ran, Rong Li*, Qirong Shen. Fumigation coupled with bio-organic fertilizer for the suppression of watermelon Fusarium wilt disease re-shapes the soil microbiome. Applied Soil Ecology, 2019, 140: 49-56
 4. 张晨智, 张旭, 陈抒瑶, 沈宗专, 李荣, 薛超*, 沈其荣. 健康与发病香蕉植株内生细菌菌群差异 [J]. 南京农业大学学报, 2019, 42(2) : 284-291. (通讯作者)
 5. Xiujuan Yang[#], **Chao Xue[#]**, Lanxi Su, Yifan Cao, Hongmei Li, Kang Wang, Rong Li*, Qirong Shen. Exploring patterns of Camellia seed cake application in relation to plant growth, soil nematodes and microbial biomass. Soil Science and Plant Nutrition, 2018, 64(2): 1-12. (共一)
 6. **Chao Xue**, C. Ryan Penton, Chen Zhu, Huan Chen, Yinghua Duan, Chang Peng, Shiwei Guo, Ning Ling*, Qirong Shen. Alterations in soil fungal community composition and network assemblage structure by different long-term fertilization regimes are correlated to the soil ionome. Biology and Fertility of Soils, 2018.1, 54(1): 95-106.
 7. **Chao Xue**, Christopher Ryan Penton, Bangzhou Zhang, Mengxin Zhao, David E. Rothstein, David J. Mladenoff, Jodi A. Forrester, Qirong Shen*, James M. Tiedje*. Soil fungal and bacterial responses to conversion of open land to short rotation woody biomass crops. GCB Bioenergy, 2016, 8:723–736.
 8. **Chao Xue**, Xu Zhang, Chen Zhu, Jun Zhao, Ping Zhu, Chang Peng, Ning Ling*, Qirong Shen. Quantitative and compositional responses of ammonia-oxidizing archaea and bacteria to long-term field fertilization. Sci Rep, 2016, 6:28981.
 9. **Chao Xue**, Christopher Ryan Penton, Zongzhan Shen, Ruifu Zhang, Qiwei Huang, Rong Li, Yunze Ruan, Qirong Shen*. Manipulating the banana rhizosphere microbiome for biological control of Panama disease. Sci Rep, 2015, 5:11124.
 10. **Chao Xue**, Li Cao, Rong Zhang, Jian He, Shunpeng Li, Qing Hong*. Draft Genome Sequence of *Sphingobium* sp. Strain BHC-A, revealing genes for the degradation of Hexachlorocyclohexane. Genome Announcements, 2014, 2(2): e00254-14.
 11. 薛超, 黄启为, 凌宁, 高雪莲, 曹云, 赵青云, 何欣, 沈其荣*, 连作土壤微生物区系分析、调控及高通量研究方法, 土壤学报, 2011.01.01, 48(3): 612~618.

六、专利成果

沈其荣, 薛超, 一种用于修复辣椒连作障碍的土壤修复剂及其制备方法和应用,

申请日:2019.10.23 申请号:201911009315.1,